



# Stellenausschreibung

## Wissenschaftliche\*r Mitarbeiter\*in - Bioinformatik 26/Sa19

Universität Greifswald, 28.05.2026 | Bewerbungsfrist: 30.06.2026

---

Am **Institut für Mathematik und Informatik**, AG Bioinformatik, der Mathematisch-Naturwissenschaftlichen Fakultät der Universität Greifswald ist vorbehaltlich der Mittelbereitstellung, voraussichtlich **zum nächstmöglichen Zeitpunkt**, befristet **für die Dauer von 3 Jahren**, eine Stelle als teilzeitbeschäftigte\*r (75 v. H.)

### wissenschaftliche\*r Mitarbeiter\*in

zu besetzen. Die Vergütung erfolgt nach Entgeltgruppe 13 TV-L Wissenschaft.

Deep Learning revolutioniert derzeit die Genomannotation. So erreicht beispielsweise unser neues Deep-Learning-basiertes Genvorhersageprogramm Tiberius eine Genauigkeit, die mit unserer Annotationspipeline BRAKER3 vergleichbar ist, auch ohne Verwendung von RNA-Seq-Daten. Aufbauend auf diesen Ergebnissen und Codebasen wird der\*die erfolgreiche Kandidat\*in an einem Forschungsprojekt im Bereich Bioinformatik und maschinelles Lernen arbeiten, das sich mit der Inferenz alternativer Spleißformen unter Verwendung von Deep-Learning-Methoden und PacBio-Long-Read-Transkriptomdaten sowie der Evolution von Isoformen bei Insekten befasst. Die Arbeit wird in Zusammenarbeit mit Prof. Gregor Bucher (Universität Göttingen) im Rahmen des Projekts "Alternative Splicing and the Evolution of Holometaboly" durchgeführt, das Teil des DFG-Schwerpunktprogramms "Genomic Basis of Evolutionary Innovations (GEvol)" ist.

### Arbeitsaufgaben:

- Entwurf, Training und Benchmarking von Deep-Learning-Sequence-to-Sequence-Architekturen
- Implementierung neuer Machine-Learning-Schichten und Modellkomponenten
- Anwendung von Tools für die Genomanalyse und molekulare Evolution
- Die Stelle bietet die Möglichkeit zur Promotion zu einem Thema im oben genannten Forschungsbereich

### Einstellungsvoraussetzungen:

- Master-Abschluss in Bioinformatik, Biomathematik, Informatik, Biologie oder einem verwandten Fachgebiet
- Fundierte Programmierkenntnisse in Python
- Beherrschung der mathematischen Grundlagen des maschinellen Lernens (lineare Algebra, Analysis)
- Englischkenntnisse, die B2 oder höher entsprechen (die Arbeitssprache ist Englisch)

### Erwünscht sind:

- Erfahrung mit Unix-Shell, Git, PyTorch, TensorFlow, SLURM
- Erfahrung im Umgang mit Genom- oder Transkriptomdaten
- Kenntnisse über Sequenz-zu-Sequenz-Modelle (Hidden Markov Models, Attention Mechanisms, Recurrent Neural Networks)

- Motivation, in einem interdisziplinären Team mit Biologen und Informatikern zu arbeiten

Diese Ausschreibung richtet sich an alle Personen unabhängig von ihrem Geschlecht. Schwerbehinderte werden bei gleicher Eignung bevorzugt berücksichtigt.

Gemäß § 68 Abs. 3 PersVG M-V erfolgt die Beteiligung des Personalrats in Personalangelegenheiten des wissenschaftlichen/künstlerischen Personals nur auf Antrag.

Kosten, die Ihnen im Rahmen des Bewerbungsverfahrens entstehen, können vom Land Mecklenburg-Vorpommern leider nicht übernommen werden.

Wir weisen darauf hin, dass die Einreichung der Bewerbung eine datenschutzrechtliche Einwilligung in die Verarbeitung Ihrer Bewerberdaten durch uns darstellt. Näheres zur Rechtsgrundlage und Datenverwendung finden Sie [hier](#).

Bewerbungen mit den üblichen Unterlagen (insbes. Lebenslauf, Anschreiben, Zeugniskopien, ggf. Publikationsliste) sind vorzugsweise per E-Mail (eine pdf-Datei) unter Angabe der Stellenausschreibungsnummer **26/Sa19** bis zum **30.06.2026** zu richten an:

**Universität Greifswald**  
**Institut für Mathematik und Informatik**  
**Prof. Dr. Mario Stanke**  
**Walther-Rathenau-Str. 47**  
**17489 Greifswald**

[mario.stanke@uni-greifswald.de](mailto:mario.stanke@uni-greifswald.de)

